

Supplementary Table S2

Rhizosphere microbiomes of European seagrasses are selected by the plant, but are not species specific

Catarina Cúcio, Aschwin H. Engelen, Rodrigo Costa, Gerard Muyzer*

*** Correspondence:** g.muijzer@uva.nl

Supplementary Table S2 – Average percentage of classes present in all rhizospheres of *Z. marina*, *Z. noltii* and *C. nodosa* as well as in the bulk sediment and seawater collected in Portugal (Zm-, Zn, Cn-, Sed- and SwPT, respectively), and rhizospheres from *Z. marina* and *Z. noltii* (Zm- and ZnFR, respectively) and respective bulk sediments (SedM and SedN) collected in France.

Taxon	ZmPT	ZnPT	CnPT	SedPT	SwPT	ZmFR	ZnFR	SedM	SedN
Other; Other	0,587	0,667	0,008	0,783	0,241	1,049	0,015	0,417	0,808
Unknown Bacteria	0,014	0,013	0,000	0,009	0,000	0,011	0,000	0,004	0,011
AC1; Other	0,002	0,003	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000
AC1; HDBW-WB69	0,006	0,008	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,006
AC1; SHA-114	0,014	0,005	0,000	0,000	0,001	0,001	0,000	0,000	0,027
Acidobacteria; Other	0,002	0,009	0,000	0,019	0,000	0,003	0,000	0,001	0,015
Acidobacteria	0,041	0,044	0,001	0,208	0,001	0,012	0,000	0,003	0,038
Acidobacteria; AT-s2-57	0,149	0,163	0,001	0,080	0,001	0,018	0,000	0,018	0,052
Acidobacteria; AT-s54	0,003	0,003	0,000	0,068	0,001	0,007	0,000	0,023	0,015
Acidobacteria; Acidobacteria-6	0,140	0,167	0,001	0,102	0,003	0,064	0,001	0,065	0,118
Acidobacteria; BPC102	0,017	0,017	0,000	0,004	0,000	0,000	0,000	0,000	0,010
Acidobacteria; Holophagae	0,013	0,022	0,000	0,032	0,000	0,017	0,000	0,008	0,021
Acidobacteria; OS-K	0,969	0,970	0,009	0,160	0,026	0,596	0,010	0,420	0,695
Acidobacteria; RB25	0,356	0,332	0,006	0,527	0,010	0,144	0,003	0,111	0,538
Acidobacteria; Solibacteres	0,046	0,053	0,001	0,413	0,000	0,049	0,000	0,015	0,037
Acidobacteria; Sva0725	0,506	0,623	0,006	1,354	0,025	0,099	0,001	0,314	0,205
Acidobacteria; [Chloracidobacteria]	0,002	0,004	0,000	0,125	0,001	0,042	0,000	0,170	0,047
Acidobacteria; iii1-8	0,002	0,001	0,000	0,059	0,000	0,001	0,000	0,000	0,002
Actinobacteria; Other	0,001	0,007	0,000	0,028	0,002	0,019	0,000	0,041	0,030
Actinobacteria	0,001	0,001	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000
Actinobacteria; Acidimicrobiia	2,091	2,193	0,026	4,984	0,648	4,945	0,066	10,888	5,396

Actinobacteria; Actinobacteria	0,222	0,323	0,002	0,069	1,193	0,064	0,002	0,036	0,079
Actinobacteria; MB-A2-108	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Actinobacteria; Nitriliruptoria	0,000	0,003	0,000	0,012	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000
Actinobacteria; OPB41	0,099	0,113	0,001	0,008	0,009	0,045	0,000	0,025	0,035
Actinobacteria; Thermoleophilia	0,040	0,069	0,001	0,031	0,006	0,021	0,000	0,028	0,022
AncK6	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Armatimonadetes; [Fimbriimonadia]	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,001	0,001
BHI80-139; MD2896-B26	0,001	0,002	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
BRC1; Other	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
BRC1	0,005	0,008	0,000	0,011	0,000	0,000	0,000	0,000	0,010
BRC1; NPL-UPA2	0,005	0,009	0,000	0,028	0,001	0,023	0,000	0,021	0,017
BRC1; PRR-11	0,027	0,059	0,001	0,069	0,001	0,027	0,000	0,009	0,032
Bacteroidetes; Other	0,899	0,880	0,009	0,223	0,225	1,729	0,019	0,704	0,738
Bacteroidetes; At12OctB3	0,012	0,022	0,000	0,002	0,001	0,017	0,000	0,002	0,004
Bacteroidetes; BME43	0,002	0,003	0,000	0,027	0,003	0,043	0,000	0,085	0,096
Bacteroidetes; Bacteroidia	7,307	6,430	0,060	1,363	0,444	7,669	0,068	1,283	2,051
Bacteroidetes; Cytophagia	1,242	1,525	0,010	1,274	0,104	0,638	0,006	0,359	0,596
Bacteroidetes; Flavobacteriia	1,881	2,267	0,014	2,813	25,742	14,303	0,114	17,397	10,485
Bacteroidetes; Sphingobacteriia	0,011	0,013	0,000	0,091	0,266	0,153	0,000	0,223	0,086
Bacteroidetes; [Rhodothermi]	0,033	0,037	0,000	0,484	0,008	0,102	0,001	0,288	0,198
Bacteroidetes; [Saprospirae]	0,328	0,416	0,003	1,734	0,152	2,730	0,019	3,921	3,597
Caldiserica; OP5	0,001	0,002	0,000	0,000	0,000	0,019	0,000	0,003	0,004
Caldithrix; Caldithrixae	0,503	0,420	0,009	0,563	0,012	0,098	0,004	0,036	0,372
Chlamydiae; Chlamydiia	0,010	0,005	0,000	0,107	0,002	0,018	0,001	0,027	0,048
Chlorobi	0,012	0,017	0,000	0,011	0,002	0,015	0,001	0,002	0,012
Chlorobi; BSV26	0,000	0,000	0,000	0,019	0,000	0,000	0,000	0,000	0,002
Chlorobi; Ignavibacteria	0,075	0,082	0,001	0,150	0,009	0,257	0,005	0,108	0,482

Chlorobi; OPB56	0,008	0,029	0,000	0,050	0,007	0,024	0,001	0,029	0,071
Chlorobi; SJA-28	0,001	0,002	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,004
Chloroflexi; Other	0,006	0,008	0,000	0,005	0,002	0,003	0,000	0,001	0,004
Chloroflexi; Anaerolineae	4,195	3,784	0,041	0,622	0,077	0,572	0,016	0,230	0,943
Chloroflexi; Dehalococcoidetes	0,178	0,254	0,004	0,012	0,009	0,009	0,001	0,000	0,139
Chloroflexi; Ellin6529	0,300	0,324	0,003	0,138	0,024	0,100	0,001	0,048	0,083
Chloroflexi; Ktedonobacteria	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Chloroflexi; MVP-21	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000
Chloroflexi; S085	0,001	0,000	0,000	0,122	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Chloroflexi; SAR202	0,014	0,018	0,000	0,470	0,001	0,000	0,000	0,001	0,004
Chloroflexi; TK17	0,000	0,000	0,000	0,106	0,000	0,002	0,000	0,000	0,014
Chloroflexi; Thermomicrobia	0,000	0,002	0,000	0,024	0,000	0,000	0,000	0,000	0,003
Cyanobacteria; Other	0,003	0,016	0,000	0,028	0,023	0,000	0,000	0,030	0,054
Cyanobacteria	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,003	0,001
Cyanobacteria; 4C0d-2	0,000	0,000	0,000	0,006	0,003	0,003	0,000	0,004	0,008
Cyanobacteria; Gloeobacterophycideae	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000
Cyanobacteria; ML635J-21	0,001	0,001	0,000	0,007	0,001	0,014	0,000	0,006	0,001
Cyanobacteria; Nostocophycideae	0,000	0,002	0,000	0,007	0,000	0,000	0,000	0,003	0,014
Cyanobacteria; Oscillatorioophycideae	0,036	0,065	0,000	0,364	0,006	0,361	0,001	1,817	1,106
Cyanobacteria; Synechococcophycideae	0,022	0,047	0,000	0,051	0,027	0,139	0,002	0,077	0,814
Deferribacteres; Deferribacteres	0,000	0,002	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000
Elusimicrobia; Other	0,004	0,007	0,000	0,001	0,001	0,000	0,000	0,000	0,004
Elusimicrobia	0,000	0,002	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Elusimicrobia; Elusimicrobia	0,057	0,062	0,000	0,032	0,001	0,011	0,000	0,002	0,009
Elusimicrobia; Endomicrobia	0,000	0,003	0,000	0,001	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000
Elusimicrobia; OP2	0,003	0,002	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000
FCPU426	0,003	0,001	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,001	0,004

Fibrobacteres; Other	0,002	0,000	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000	0,000	0,001
Fibrobacteres	0,003	0,004	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,001	0,000
Fibrobacteres; B5-096	0,003	0,007	0,000	0,008	0,001	0,000	0,000	0,003	0,004
Fibrobacteres; Fibrobacteria	0,137	0,203	0,004	0,068	0,022	0,028	0,002	0,026	0,051
Fibrobacteres; TG3	0,114	0,155	0,001	0,013	0,034	0,017	0,000	0,013	0,018
Firmicutes; Other	0,001	0,002	0,000	0,001	0,004	0,010	0,001	0,002	0,023
Firmicutes; Bacilli	0,013	0,015	0,000	0,013	0,001	0,003	0,000	0,004	0,006
Firmicutes; Clostridia	0,566	0,518	0,007	0,543	0,211	6,698	0,090	2,717	2,620
Fusobacteria; Fusobacteriia	0,046	0,043	0,000	0,065	0,035	0,044	0,001	0,503	2,732
GN02; Other	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000
GN02	0,003	0,004	0,000	0,006	0,017	0,074	0,001	0,016	0,020
GN02; 3BR-5F	0,022	0,019	0,000	0,023	0,004	0,035	0,001	0,015	0,062
GN02; BB34	0,019	0,035	0,000	0,044	0,011	0,042	0,001	0,014	0,082
GN02; BD1-5	0,002	0,007	0,000	0,005	0,047	0,050	0,000	0,051	0,064
GN02; GKS2-174	0,006	0,003	0,000	0,003	0,000	0,022	0,000	0,022	0,011
GN02; GN07	0,004	0,010	0,000	0,003	0,000	0,001	0,000	0,001	0,015
GN02; GN10	0,001	0,004	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,001	0,004
GN02; IIB17	0,005	0,001	0,000	0,005	0,002	0,011	0,000	0,003	0,012
GN04; Other	0,005	0,006	0,000	0,008	0,000	0,002	0,000	0,000	0,001
GN04	0,024	0,042	0,001	0,026	0,000	0,009	0,001	0,002	0,070
GN04; 5bav_B12	0,004	0,003	0,000	0,007	0,000	0,001	0,000	0,000	0,007
GN04; GN15	0,061	0,048	0,001	0,039	0,001	0,015	0,001	0,005	0,066
GN04; MSB-5A5	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
GOUTA4	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,000	0,000	0,000	0,005
Gemmatimonadetes; Other	0,001	0,001	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000	0,001	0,002
Gemmatimonadetes	0,000	0,000	0,000	0,063	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Gemmatimonadetes; Gemm-1	0,106	0,126	0,002	0,155	0,006	0,036	0,001	0,013	0,109

Gemmatimonadetes; Gemm-2	0,290	0,392	0,004	0,929	0,033	0,323	0,006	0,213	0,630
Gemmatimonadetes; Gemm-4	0,466	0,527	0,004	0,347	0,014	0,072	0,001	0,089	0,043
Gemmatimonadetes; Gemm-5	0,011	0,003	0,000	0,011	0,001	0,000	0,000	0,001	0,007
Gemmatimonadetes; Gemm-6	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
Gemmatimonadetes; JL-ETNP-Z39	0,004	0,012	0,000	0,015	0,001	0,001	0,000	0,000	0,028
H-178	0,016	0,023	0,000	0,001	0,009	0,022	0,001	0,007	0,034
Hyd24-12; WM88	0,016	0,009	0,000	0,000	0,002	0,028	0,001	0,005	0,021
KSB3; Other	0,015	0,008	0,000	0,001	0,001	0,001	0,000	0,003	0,007
KSB3	0,099	0,112	0,002	0,017	0,009	0,032	0,001	0,029	0,079
KSB3; GN06	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Kazan-3B-28	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
LCP-89; SAW1_B44	0,053	0,069	0,001	0,002	0,002	0,027	0,001	0,002	0,047
LD1	0,006	0,002	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,010
Lentisphaerae; [Lentisphaeria]	0,191	0,388	0,004	0,402	0,075	0,096	0,001	0,086	0,225
MVS-104	0,002	0,007	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,004
NKB19; Other	0,000	0,003	0,000	0,006	0,000	0,002	0,000	0,003	0,002
NKB19	0,009	0,017	0,000	0,047	0,001	0,009	0,000	0,003	0,029
NKB19; SHAB590	0,000	0,000	0,000	0,013	0,000	0,000	0,000	0,005	0,001
NKB19; TSBW08	0,005	0,003	0,000	0,033	0,001	0,025	0,000	0,011	0,010
Nitrospirae; Nitrospira	0,049	0,076	0,001	0,810	0,001	0,004	0,000	0,010	0,145
OD1; Other	0,005	0,006	0,000	0,008	0,005	0,011	0,000	0,001	0,007
OD1	0,005	0,003	0,000	0,007	0,010	0,067	0,002	0,024	0,091
OD1; ABY1	0,028	0,060	0,001	0,112	0,027	0,234	0,003	0,051	0,140
OD1; Mb-NB09	0,000	0,005	0,000	0,042	0,001	0,007	0,000	0,001	0,027
OD1; SM2F11	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
OD1; ZB2	0,072	0,073	0,001	0,130	0,145	0,196	0,002	0,249	0,197
OP1; MSBL6	0,006	0,002	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,001	0,004

Supplementary Table S2

OP1; [Acetothermia]	0,002	0,000	0,000	0,014	0,000	0,000	0,000	0,000	0,004
OP11; OP11-3	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
OP3; Other	0,006	0,002	0,000	0,004	0,001	0,003	0,000	0,001	0,005
OP3	0,004	0,009	0,000	0,001	0,002	0,000	0,000	0,000	0,002
OP3; BD4-9	0,045	0,032	0,001	0,029	0,014	0,002	0,000	0,001	0,022
OP3; PBS-25	0,031	0,047	0,000	0,102	0,008	0,008	0,000	0,012	0,017
OP3; koll11	0,026	0,031	0,000	0,024	0,007	0,001	0,000	0,001	0,017
OP8; OP8_1	0,218	0,157	0,003	0,001	0,009	0,012	0,001	0,002	0,108
OP8; OP8_2	0,107	0,109	0,002	0,007	0,003	0,054	0,001	0,021	0,113
OP8; SAW1_B6	0,003	0,003	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,000	0,009
OP9; JS1	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
PAUC34f;	0,002	0,002	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000	0,001	0,004
Planctomycetes; Other	0,068	0,096	0,001	0,085	0,006	0,024	0,000	0,021	0,027
Planctomycetes;	0,138	0,177	0,002	0,217	0,004	0,029	0,000	0,034	0,104
Planctomycetes; 028H05-P-BN-P5	0,008	0,004	0,000	0,032	0,001	0,033	0,000	0,053	0,029
Planctomycetes; BD7-11	0,014	0,016	0,000	0,060	0,001	0,002	0,000	0,001	0,020
Planctomycetes; C6	0,239	0,323	0,004	0,262	0,012	0,160	0,003	0,180	0,275
Planctomycetes; ODP123	0,005	0,008	0,000	0,009	0,001	0,003	0,000	0,005	0,012
Planctomycetes; OM190	0,178	0,334	0,002	0,640	0,026	0,264	0,002	0,323	0,372
Planctomycetes; Phycisphaerae	0,363	0,445	0,008	1,356	0,019	0,276	0,005	0,370	0,644
Planctomycetes; Pla3	0,144	0,165	0,002	0,150	0,001	0,010	0,000	0,008	0,038
Planctomycetes; Pla4	0,002	0,009	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000	0,002
Planctomycetes; Planctomycetia	1,099	1,398	0,014	1,656	0,156	0,965	0,010	1,313	1,027
Planctomycetes; [Brocadiaae]	0,000	0,000	0,000	0,012	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
Planctomycetes; vadinHA49	0,030	0,048	0,000	0,102	0,008	0,028	0,000	0,009	0,021
Poribacteria;	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
Proteobacteria; Other	0,552	0,466	0,004	0,152	0,261	0,261	0,001	0,192	0,143

Proteobacteria; Alphaproteobacteria	1,577	2,743	0,017	14,237	28,726	8,796	0,079	15,270	13,954
Proteobacteria; Betaproteobacteria	0,004	0,012	0,000	0,207	0,292	0,078	0,001	0,036	0,044
Proteobacteria; Deltaproteobacteria	25,374	23,311	0,258	10,357	1,266	9,789	0,128	6,805	13,568
Proteobacteria; Epsilonproteobacteria	2,748	3,820	0,044	0,267	0,828	13,889	0,043	2,134	2,114
Proteobacteria; Gammaproteobacteria	38,043	35,465	0,322	40,895	37,738	13,759	0,157	24,864	23,705
Proteobacteria; TA18	0,023	0,027	0,000	0,166	0,013	0,068	0,001	0,186	0,116
Proteobacteria; Zetaproteobacteria	0,000	0,006	0,000	0,003	0,003	0,000	0,000	0,000	0,003
SAR406; AB16	0,041	0,072	0,001	0,057	0,011	0,064	0,002	0,019	0,070
SBR1093;	0,000	0,000	0,000	0,015	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
SBR1093; EC214	0,000	0,000	0,000	0,066	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
SBR1093; VHS-B5-50	0,000	0,002	0,000	0,095	0,000	0,002	0,000	0,006	0,022
SR1;	0,002	0,004	0,000	0,002	0,004	0,062	0,001	0,046	0,021
Spirochaetes; Other	0,005	0,007	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,001
Spirochaetes; GN05	0,005	0,006	0,000	0,000	0,000	0,008	0,000	0,004	0,008
Spirochaetes; MVP-15	0,002	0,001	0,000	0,001	0,001	0,002	0,000	0,002	0,010
Spirochaetes; Spirochaetes	0,940	1,115	0,016	0,394	0,144	0,752	0,009	0,277	0,602
Spirochaetes; [Brachyspirae]	0,030	0,032	0,001	0,003	0,002	0,001	0,000	0,002	0,020
Spirochaetes; [Brevinematae]	0,008	0,004	0,000	0,002	0,001	0,002	0,000	0,008	0,001
Spirochaetes; [Leptospirae]	0,034	0,035	0,000	0,005	0,003	0,027	0,001	0,019	0,069
TM6; Other	0,000	0,001	0,000	0,004	0,000	0,002	0,000	0,001	0,002
TM6;	0,000	0,001	0,000	0,001	0,001	0,000	0,000	0,002	0,000
TM6; SBRH58	0,009	0,013	0,000	0,020	0,005	0,025	0,001	0,009	0,052
TM6; SJA-4	0,009	0,009	0,000	0,055	0,003	0,006	0,001	0,009	0,021
TM7; Other	0,000	0,000	0,000	0,002	0,001	0,010	0,000	0,036	0,022
TM7;	0,000	0,003	0,000	0,012	0,010	0,065	0,000	0,062	0,050
TM7; TM7-1	0,013	0,008	0,000	0,025	0,017	0,041	0,001	0,136	0,046
TM7; TM7-3	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000

Supplementary Table S2

TPD-58;	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000	0,001	0,000	0,000	0,002
Tenericutes; Other	0,002	0,004	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,003	0,000
Tenericutes;	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000
Tenericutes; Mollicutes	0,011	0,037	0,000	0,042	0,043	0,038	0,000	0,020	0,033
Verrucomicrobia; Other	0,013	0,019	0,000	0,016	0,003	0,208	0,000	0,121	0,038
Verrucomicrobia;	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,000	0,001
Verrucomicrobia; Opitutae	0,068	0,078	0,000	0,240	0,029	0,119	0,001	0,061	0,067
Verrucomicrobia; Verruco-5	0,602	0,733	0,009	0,958	0,083	1,797	0,018	0,635	1,086
Verrucomicrobia; Verrucomicrobiae	0,175	0,453	0,002	1,414	0,099	2,211	0,018	2,485	1,348
Verrucomicrobia; [Methylacidiphilae]	0,000	0,000	0,000	0,015	0,000	0,000	0,000	0,002	0,012
Verrucomicrobia; [Pedosphaerae]	0,466	0,654	0,004	0,390	0,009	0,032	0,000	0,016	0,030
Verrucomicrobia; [Spartobacteria]	0,005	0,009	0,000	0,000	0,000	0,044	0,000	0,023	0,010
WPS-2;	0,000	0,002	0,000	0,000	0,002	0,005	0,000	0,029	0,052
WS2; Other	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,002	0,000	0,001	0,003
WS2;	0,002	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000	0,000
WS2; Kazan-3B-09	0,006	0,003	0,000	0,005	0,000	0,017	0,000	0,003	0,015
WS2; SHA-109	0,016	0,012	0,000	0,047	0,001	0,033	0,001	0,021	0,065
WS3; PRR-12	1,420	1,653	0,018	0,841	0,050	1,108	0,022	0,514	1,444
WS5;	0,001	0,000	0,000	0,000	0,001	0,000	0,000	0,000	0,000
WWE1; [Cloacamonae]	0,011	0,022	0,000	0,000	0,007	0,216	0,004	0,012	0,087
ZB3; Other	0,000	0,000	0,000	0,003	0,000	0,000	0,000	0,000	0,001
ZB3;	0,004	0,002	0,000	0,004	0,001	0,000	0,000	0,000	0,010
ZB3; BS119	0,001	0,004	0,000	0,000	0,002	0,001	0,000	0,000	0,003
[Caldithrix]; KSB1	0,042	0,038	0,001	0,038	0,004	0,006	0,000	0,002	0,019
[Thermi]; Deinococci	0,000	0,001	0,000	0,035	0,000	0,020	0,000	0,045	0,044